

NVMM Materialentabel - Release notes

De NVMM-materialentabel bevat alle materialen die kunnen worden geregistreerd t.b.v. het uniform communiceren van micro-organismen en de gevoeligheid voor de geteste antibiotica tussen medisch microbiologische laboratoria en het RIVM. Elk materiaal is gecodeerd met een [SNOMED](#)-concept. De tabel is ontworpen om samen met de [Nederlandse Labcodeset](#) gebruikt te worden.

Formaat

De tabel wordt uitgeleverd in XML (zie Figuur 1). Hiervoor is gekozen omdat de tabel geen platte lijst is. Een *materiaal* wordt samengesteld door verschillende keuzes vast te leggen:

1. Het *basismateriaal*, bv. 'cervixslijm', 'bloed' of 'devices/niet-humaan'. Hieruit volgt de bijbehorende *substantie*, hoewel deze voor sommige materialen niet gespecificeerd is.
2. De *topografie* oftewel de topografische herkomst, bv. de cervix of het peritoneum.
3. De *morfologie* oftewel de morfologische herkomst, bv. een hematoom of trombus.
4. Het *object* (device) waar het materiaal uit voortkomt, bv. een drain.
5. De *procedure* oftewel verrichting waarmee het verkregen is, bv. een uitstrijkje of een hielprik.

```
- <materiaal name="bloed">
  <basismateriaal name="bloed" type="core set"/>
  - <substantie>
    <snomed name="Blood (substance)" type="required" id="87612001" fsn="Blood (substance)"/>
  </substantie>
  - <topografie>
    <snomed name="arterie" type="optional" id="51114001" fsn="Arterial structure (body structure)"/>
    <snomed name="vene" type="optional" id="29092000" fsn="Venous structure (body structure)"/>
  </topografie>
  - <morfologie>
    <snomed name="hematoom" type="optional" id="35566002" fsn="Hematoma (morphologic abnormality)"/>
    <snomed name="trombus" type="optional" id="396339007" fsn="Thrombus (morphologic abnormality)"/>
  </morfologie>
  <object/>
  - <procedure>
    <snomed name="hielprik" type="optional" id="77262006" fsn="Heel stick (procedure)"/>
    <snomed name="verzamelen van bloed uit centraal veneuze katheter" type="optional" id="108101000146107"
      fsn="Collection of blood via central venous catheter (procedure)"/>
    <snomed name="verzamelen van bloed uit getunnelde centraal veneuze katheter" type="optional"
      id="108141000146105" fsn="Collection of blood via tunneled central venous catheter (procedure)"/>
    <snomed name="verzamelen van bloed uit geïmplanteerde vasculaire injectiepoort" type="optional"
      id="108111000146109" fsn="Collection of blood via implanted injection port (procedure)"/>
    <snomed name="verzamelen van bloed uit vasculaire katheter" type="optional" id="406173008" fsn="Phlebotomy:
      cannulated vessel (procedure)"/>
    <snomed name="verzamelen van bloed uit perifere intraveneuze katheter" type="optional" id="108131000146102"
      fsn="Collection of blood via peripherally inserted intravenous catheter (procedure)"/>
    <snomed name="verzamelen van bloed uit arteriële katheter" type="optional" id="699873000" fsn="Collection of
      blood via arterial catheter (procedure)"/>
    <snomed name="verzamelen van bloed uit PICC" type="optional" id="108121000146104" fsn="Collection of blood
      via peripherally inserted central catheter (procedure)"/>
  </procedure>
  - <subsumedBy>
    <snomed id="123038009" fsn="Specimen (specimen)"/>
    <snomed id="440500007" fsn="Dried blood spot specimen (specimen)"/>
    <snomed id="309051001" fsn="Body fluid sample (specimen)"/>
    <snomed id="119297000" fsn="Blood specimen (specimen)"/>
  </subsumedBy>
</materiaal>
```

Figuur 1: XML van materiaal 'bloed'.

Het attribuut *type* geeft voor elk *snomed*-element aan of deze verplicht bij het materiaal hoort (*type=required*), of als extra keuze kan worden vastgelegd (*type=optional*). De andere keuzes kunnen worden vastgelegd maar kunnen ook worden weggelaten: een bloedspecimen hoeft immers niet uit een morfologische afwijking te komen, maar kan ook gewoon uit een bloedvat afgenomen worden. Uit elke keuzelijst kan maximaal één waarde per materiaal worden vastgelegd.

Bij het element *basismateriaal* geeft *type* aan of het materiaal deel is van de basisset (*core set*), of een optioneel materiaal dat alleen is toegevoegd om het mappen makkelijker te maken.

Samenhang met de Nederlandse Labcodeset

De Nederlandse Labcodeset bevat een lijst van bepalingen, gecodeerd met [LOINC](#). Elke bepaling is gekoppeld aan één of meer materialen waarin deze mag worden uitgevoerd. Die materialen zijn gekoppeld aan SNOMED. Wanneer een bepaling bijvoorbeeld is gekoppeld aan 11929700 |Blood specimen|, dan mag bij deze bepaling alleen 11929700 |Blood specimen| óf één van zijn afstammelingen gekoppeld worden.

Met een SNOMED-publicatie is te achterhalen welke SNOMED-concepten gesubsumeerd worden door (dat wil zeggen, afstammen van) 11929700 |Blood specimen| en de andere gebruikte materialen. Omdat dit echter geen triviale inspanning is voor leveranciers die nog niet bekend zijn met SNOMED, hebben we de relevante informatie toegevoegd aan de materialentabel. Onder *subsumedBy* staan alle SNOMED-concepten waardoor het *materiaal* gesubsumeerd wordt.

Een materiaal mag dus alleen vastgelegd worden bij een bepaling uit de Labcodeset, wanneer de Labcodeset-bepaling is gekoppeld aan een SNOMED-concept dat voorkomt in de lijst van *subsumedBy*-concepten van het betreffende materiaal.

Als u vragen of wijzigingsverzoeken heeft met betrekking tot de materialentabel of de labcodeset, kunt u die sturen naar labcodeset@nictiz.nl.

De materialentabel kan worden gedownload op <https://www.nictiz.nl/sectoren/laboratoria/antibioticaresistentie-2/>.